

Problemática patológica actual en avicultura

N. MAJÓ MASFERRER^{1,2*}, A. RAMIS SALVÀ^{1,2}, K. BERTRAN DOLS², R. DOLZ PASCUAL²

¹Departament de Sanitat i Anatomia Animals. Facultat de Veterinària. Universitat Autònoma de Barcelona. 08193-Bellaterra (Barcelona)

²Centre de Recerca en Sanitat Animal (CReSA), UAB-IRTA, Campus de la Universitat Autònoma de Barcelona, 08193 Bellaterra (Cerdanyola del Vallès), Spain

*e-mail: natalia.majo@cresa.uab.cat

Durante este último año, la situación de la avicultura se ha visto condicionada por el brote de hepatitis por cuerpos de inclusión, que viene afectando las granjas españolas desde la primavera del 2011. En esta presentación, se revisarán algunos de los aspectos clínico-patológicos y epidemiológicos de este brote, así como las investigaciones realizadas sobre el agente causal. Por otro lado, se expondrán datos sobre la detección de cepas de virus de bronquitis infecciosa aviar durante estos últimos meses y, más en concreto, sobre el predominio de la cepa QX en muchas de las granjas del país.

The situation of the poultry industry this last year has been determined by the inclusion body hepatitis outbreak that started in spring 2011 and is still hitting many Spanish poultry farms. In this presentation, we will review some clinic-pathological and epidemiological aspects of this outbreak, as well as the research done on the causal agent. On the other hand, we will expose some data on the detection of infectious bronchitis virus strains over the last months, and more specifically, on the high proportion of QX strains detected in many Spanish farms.

Palabras clave: problemática patológica, hepatitis por cuerpos de inclusión, bronquitis infecciosa aviar.

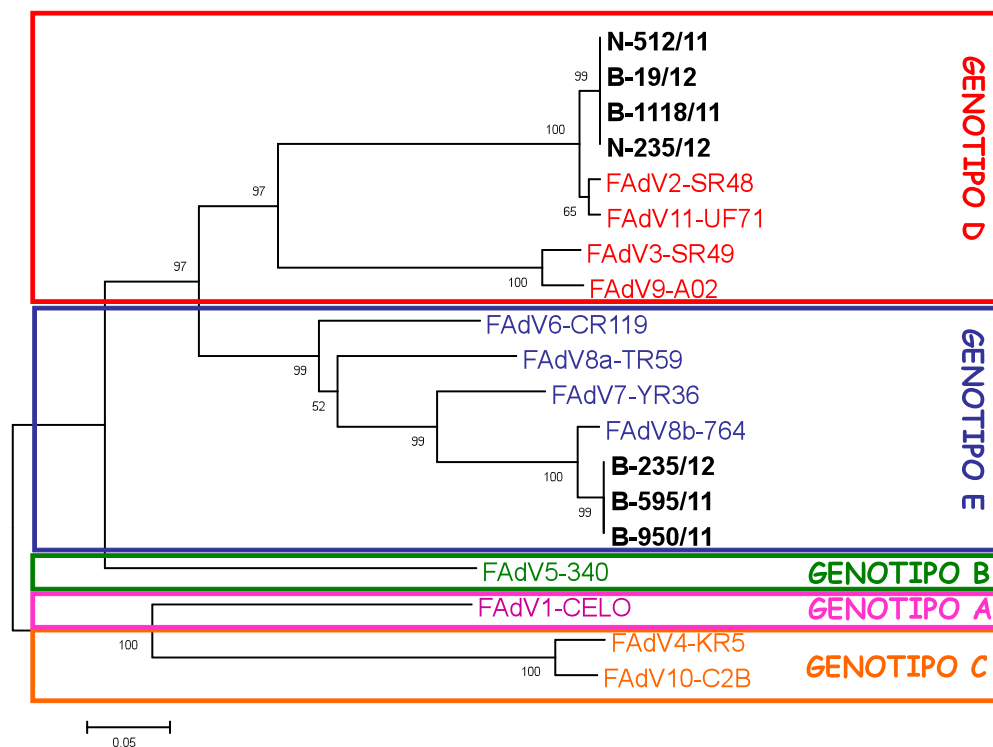
En este último año, la problemática patológica que ha presentado el sector avícola español, sobre todo en lo que se refiere a la avicultura de carne, ha venido dominada por una enfermedad vírica reemergente en el país como es la Hepatitis por cuerpos de inclusión.

Esta enfermedad está causada por un adenovirus del género Aviadenovirus (adenovirus del Grupo I) y causa importantes pérdidas económicas en países con industria avícola desarrollada, como Estados Unidos, Canadá o Australia (Dar *et al.*, 2012; Fitzgerald, 2012). En España, a pesar de que en los últimos años se había diagnosticado algún caso aislado de hepatitis por cuerpos de inclusión, a finales de la primavera del 2011 empezó un importante brote de esta enfermedad que aún no ha

finalizado. Desde principios de febrero del 2011 hasta finales de agosto del 2012, han llegado al *Servei de Diagnòstic Patològic Veterinari* (Servicio de Diagnóstico Patológico Veterinario-SDPV) de la Universitat Autònoma de Barcelona unos 116 casos de sospecha de hepatitis por cuerpos de inclusión, de los cuales se han confirmado mediante el examen histopatológico unos 44 casos (38%). Los casos positivos provenían básicamente de granjas de pollos de engorde de entre 15 y 30 días de edad, con problemática de un incremento súbito de mortalidad y lesiones hepáticas evidentes a la necropsia (hígados pálidos o amarillentos, friables y con algunas petequias). También hemos tenido casos de animales de 7 ó 9 días de edad, en los que probablemente la transmisión vertical ha sido muy efectiva y algunos, pocos, casos de reproductoras pesadas en fase de recría.

Dado que dentro del Grupo I de adenovirus aviar existen 12 serotipos y 5 genotipos o especies, en el CReSA decidimos poner a punto una técnica molecular para determinar qué genotipo/serotipo de adenovirus era el causante del brote actual. Se incluyeron en el estudio 5 casos del 2011 y 2 del 2012 y 5 casos de reproductoras y 2 de pollos de engorde de diferentes localizaciones geográficas. Se identificaron dos grupos de adenovirus involucrados en el brote de Hepatitis por cuerpos de inclusión en España en 2011 y 2012: serotipo 8b (genotipo D) y serotipo 2 y 11 (genotipo E) (ver Figura 1). Cabe destacar que el serotipo 8 es uno de los serotipos que con más frecuencia se detecta en brotes de Hepatitis por cuerpos de inclusión.

Figura 1. Árbol filogenético realizado a partir de las secuencias nucleotídicas del gen hexón del adenovirus aviar. En negrita los virus involucrados en el brote de IBH en España. En colores, los serotipos de referencia pertenecientes a cada uno de los 5 genotipos de los adenovirus.



Por otro lado, ha habido otro hecho remarcable durante este último año en relación a la problemática patológica que afecta las granjas del país y es la presencia de cepas del genotipo QX. Ya durante el año pasado, pero sobre todo durante estos últimos invierno y primavera, el número de casos patológicos en los cuales se han detectado cepas QX ha ido en aumento. Podríamos decir que actualmente es la cepa de virus de bronquitis infecciosa que predomina en el país y que ha desplazado a la Italy 02 que era la cepa dominante hasta hace poco. Cabe destacar, que esta cepa se ha detectado en casos en los que la problemática respiratoria empieza temprano (alrededor de los 14 días de edad) y, si bien, no produce en los casos estudiados una lesión traqueal grave, sí que permite la entrada de agentes secundarios (básicamente cepas de *Escherichia coli* multiresistentes) que han provocado una importante mortalidad y problemas de poliserositis en granja y matadero.

Bibliografía

Dar A, Gomis S, Shirley I, Mutwiri G, Brownlie R, Potter A, Gerds V, Tikoo SK. Pathotypic and molecular characterization of a fowl adenovirus associated with inclusion body hepatitis in Saskatchewan chickens. *Avian Diseases*, Mar 56(1): 73-81. 2012.

Fitzgerald SD. Adenovirus infection, pp 251-262. In: *Diseases of Poultry*. 12th ed. Edited by Y. Mohamed Saif, Aly M. Fadly, John R. Glisson, Larry R. McDougald, Lisa K. Nolan, and David E. Swayne, Editors. Blackwell Publishing, Ames, Iowa, USA. 1324 pp. ISBN 978-0813807188.